การจำแนกโปรตีนเครื่องหมายเพื่อบ่งชี้ระยะการสุกแก่ของผลพลัมและแนคทารีนโดย HPLC

อรุณรัตน์ อนันตทัศน์*

บทคัดย่อ

การใช้ High Performance Liquid Chromatography (HPLC) ในการวิเคราะห์หาโปรตีนที่มีศักยภาพที่จะใช้เป็น เครื่องหมายในการบ่งซี้ระยะการสุกแก่ของผลพลัม 2 สายพันธุ์ คือ Pizazz และ Queen Rosa และผลแนคทารีน 2 สายพันธุ์ คือ Spring Bright และ Flavortop โดยทำการตรวจสอบ profile ของโปรตีนที่สกัดจากผลตามระยะการสุกแก่ที่ แตกต่างกัน 3 ระยะ ได้แก่ ระยะก่อนสุก ระยะสุกทางการค้า และระยะหลังสุกทางการค้าแล้ว 3 วัน จากการตรวจสอบ โดยการแยกผ่านคอลัมน์ชนิด C18 ที่กำหนดอัตราการใหลของโมบายเฟส 2 ตัวคือ methanol และ milliQ water 1 มิลลิลิตรต่อนาที พบว่าผลพลัมทั้ง 2 สายพันธุ์ มี profile ของการแยกโปรตีนเหมือนกัน โดยพีคของโปรตีนที่ retention time ที่ 15 นาที จะเพิ่มสูงมากขึ้นตามการพัฒนาของผลจากผลดิบ ไปสู่ผลสุก ส่วนในผลแนคทารีนให้ผลเช่นเดียวกันกับ การตรวจสอบในผลพลัม พบว่าโปรตีนที่แยกได้ทั้ง 2 สายพันธุ์ มีลักษณะเหมือนกันเว้นแต่พีคโปรตีนที่ retention time เท่ากับ 15 นาที มีแนวโน้มเพิ่มสูงขึ้นตามระยะการสุกแก่ของผล ดังนั้นจากการทดลองนี้แสดงให้เห็นว่ามีโปรตีนอย่าง น้อย 1 ตัวที่สามารถใช้เป็นเครื่องหมายในการแยกแยะระยะการสุกแก่ของผลพลัมและแนคทารีนใด้

^{*} วิทยาศาสตรมหาบัณฑิต (เทคโนโลยีหลังการเก็บเกี่ยว) คณะทรัพยากรชีวภาพและเทคโนโลยี มหาวิทยาลัยเทคโนโลยีพระจอมเกล้า ชนบุรี. 112 หน้า.

Characterisation of Protein Markers for Indicating the Maturity Stages of Plum and Nectarine fruits by HPLC

Aroonrat Anantathas

Abstract

The investigation of protein marker which had the potentials to indicate the maturity stages of plum and nectarine fruit was done using a High Performance Liquid Chromatography (HPLC). Two cultivars of plum (Pizazz and Queen Rosa) and nectarine (Spring Bright and Flavortop) were used to determine profiles of proteins in three different maturity stages; early stages, commercial maturity, and commercial maturity plus 3 days (soft ripening). The profiles of protein extracts were analysed by a HPLC, using a C18 column, at the flow rate of 1 ml / min of dynamic gradient mixtures between methanol and milliQ water. The results revealed that plum fruit showed the same profiles in both cultivars that a peak of protein at the retention time 15 min was increased according to the stages of fruit development. The protein profiles of nectarine in both cultivars were also the same, when the protein peak of the retention time 15 min was tended to increase following on the maturity stages of fruit. As a result, there was at least a protein showing high potential to be a candidate protein using as a marker to identify the maturity of the fruits.

^{*} Master of Science (Postharvest Technology), Faculty of School of Bioresources and Technology, King Mongkut's University of Technology Thonburi. 112 pages.