

ชื่อเรื่อง	ความหลากหลายในการใช้ข้อมูลดีเอ็นเอของเชื้อรา <i>Lasiodiplodia</i> sp. เพื่อการจำแนกเชื้อ
ผู้แต่ง	ชัยณรงค์ รัตนกริธากุล และพิมพ์รัมภา เปี่ยมสกุล
ที่มา	วารสารวิทยาศาสตร์เกษตร 45 (3/1 พิเศษ): 157-160. 2557.
คำสำคัญ	Botryosphaeriaceae; โรคข้าวผลเน่า; ข้อมูลดีเอ็นเอ

### บทคัดย่อ

ทำการตรวจสอบความหลากหลายของเชื้อราสาเหตุโรคข้าวผลเน่า โดยใช้เชื้อราตัวแทนที่มีลักษณะโคโลนีใกล้เคียงกับเชื้อรา *Lasiodiplodia theobromae* จากแปลงผลิตมะม่วงในพื้นที่ผลิตต่างกัน จำนวน 3 ไร่ โซนเลข คือ L4 L5 และ L7 จากการศึกษาลักษณะการเจริญเติบโตของเชื้อราบนอาหาร PDA พบว่า เชื้อรา *L. theobromae* L7 เจริญเติบโตได้ดีกว่า L4 และ L5 สำหรับลักษณะเส้นใยของเชื้อรา L5 มีลักษณะสีขาวอมเทา พุกคล้ายกับเส้นใยของเชื้อรา L7 เมื่อนำข้อมูลดีเอ็นเอของเส้นใยเชื้อรามาตรวจสอบส่วนของ Internal transcribed spacer ด้วยเทคนิคพีซีอาร์ ใช้ไพรเมอร์ ITS1 และ ITS4 วิเคราะห์หาลำดับเบส ตรวจสอบความเหมือน และเทียบกับฐานข้อมูลดีเอ็นเอของเชื้อรา พบว่า L5 กับ L7 มีข้อมูลลำดับเบสบางส่วนที่เหมือนกัน และใกล้เคียงกับเชื้อรา *Neofusicoccum parvum* สำหรับเชื้อรา L4 มีลำดับเบสใกล้เคียงกับเชื้อรา *Botryosphaeria dothidea* ผลจากการตรวจสอบครั้งนี้ทำให้ทราบว่า การใช้ข้อมูลลำดับเบสเพื่อตรวจสอบชนิดของเชื้อรา มีโอกาสผิดพลาด จากความไม่สมบูรณ์ของฐานข้อมูล และมีโอกาสที่จะพบโรคข้าวผลเน่าจากเชื้อราอื่นๆที่อยู่ในตระกูล Botryosphaeriaceae ได้